

1/2

FIG. 1

SVPH1-26

SEQ ID NO:1

ATGGCAGTGGGTGAGCCCCTGGTGCACATCAGGGTCACTCTTCTGCTGCT
CTGGTTTGGGATGTTTTTGTCTATTTCTGGCCACTCTCAGGCCAGGCCCT
CCCAGTATTTCACTTCTCCAGAAGTGGTGATCCCTTTGAAGGTGATCAGC
AGGGGACAGAGGTGCAAAGGCTCCTGGATGGCTCTCCTATAGCCTGCGGTT
TGGGGGACAGAGATACATTGTCCACATGAGGGTAAATAAGCTGTTGTTTG
CTGCACACCTTCCTGTGTTACCTACACAGAGCAGCATGCCCTGCTCCAG
GATCAGCCCTTCATCCAGGATGACTGCTACTACCATGGTTATGTGGAGGG
GGTCCCTGAGTCCTTGGTTGCCCTTAGTACCTGTTCTGGGGGCTTTCTTG
GAATGCTACAGATAAATGACCTTGTTTTATGAAATCAAGCCAATTAGTGTT
TCTGCCACATTTGAACACCTAGTATATAAGATAGACAGTGATGATACACA
GTTTCCACCTATGAGATGTGGGTTAACAGAAGAGAAAAATAGCACACCAGA
TGGAGTTGCAATTGTCATATAATTTCACTCTGAAGCAAAGTTCTTTTGTG
GGCTGGTGGACCCATCAGCGGTTTGTTGAGCTGGTAGTGGTCGTGGATAA
TATTAGATATCTTTTCTCTCAAAGTAATGCAACAACAGTGCAGCATGAAG
TATTTAACGTTGTCAATATAGTGGATTCCCTTCTATCATCCTTTGGAGGTT
GATGTAATTTTGACTGGAATTGATATATGGACTGCATCAAATCCACTTCC
TACCAGTGGAGACCTAGATAATGTTTTAGAGGACTTTTCTATTTGGAAGA
ATTATAACCTTAATAATCGACTACAACATGATGTTGCACATCTTTTCATA
AAAGACACACAAGGCATGAAGCTTGGTGTGCTATGTTAAAGGAATATG
CCAGAATCCTTTTAATACTGGAGTTGATGTTTTTGAAGACAACAGGTTGG
TCGTTTTTGAATTACTTTGGGCCACGAGCTTGGTCATAATTTGGGTATG
CAACATGACACCCAGTGGTGTGTGTGCGAGCTACAGTGGTGCATAATGCA
TGCCTATAGAAAGGTGACAATAATTTAGCAACTGCAGTTATGCCCAAT
ATTGGGACAGTACTATCAGTAGTGGATTATGTATTCAACCGCCTCCATAT
CCAGGGAATATATTTAGACTGAAGTACTGTGGGAATCTAGTGGTTGAAGA
AGGGGAGGAATGTGACTGTGGAACCATAACGGCAGTGTGCAAAGATCCCT
GTTGTCTGTAAACTGTACTCTACATCCTGGGGCTGCTTGTGCTTTTGGGA
ATATGTTGCAAAGACTGCAAATTTCTGCCATCAGGAACTTTATGTAGACA
ACAAGTTGGTGAATGTGACCTTCCAGAGTGGTGCAATGGGACATCCCATC
AATGCCCAGATGATGTGTATGTGCAGGACGGGATCTCCTGTAATGTGAAT
GCCTTCTGCTATGAAAAGACGTGTAATAACCATGATATACAATGTAAAGA
GATTTTTGGCCAAGATGCAAGGAGTGCATCTCAGAGTTGCTACCAAGAAA
TCAACACCCAAGGAAACCGTTTCGGTCACTGTGGTATTGTAGGCACAACA
TATGTAAAATGTTGGACCCCTGATATCATGTGTGGGAGGGTTTCAGTGTGA
AAATGTGGGAGTAATTCCTAATCTGATAGAGCATTCTACAGTGCAGCAGT
TTCACCTCAATGACACCACTTGCTGGGGCACTGATTATCATTTAGGGATG
GCTATACCTGATATTGGTGAGGTGAAAGATGGCACAGTATGTGGTCCAGA
AAAGATCTGCATCCGTAAGAAGTGTGCCAGTATGGTTCATCTGTCACAAG
CCTGTCAGCCTAAGACCTGCAACATGAGGGGAATCTGCAACAACAAACAA
CACTGTCACTGCAACCATGAATGGGCACCCCCATACTGCAAGGACAAAGG
CTATGGAGGTAGTGCTGATAGTGGCCACCTCCTAAGAACAACATGGAAG
GATTAAATGTGATGGGAAAGTTGCGTTACCTGTCACTATTGTGCCTTCTT
CCTTTGGTTGCTTTTTTTATTATTTTGTCTTACATGTGCTTTTTTAAGAAACG
CACAAAAAGTAAAGAAGATGAAGAAGGATAA

2/2

FIG. 2

SVPH1-26**SEQ ID NO:2**

MAVGEPLVHIRVTLLLLWFGMFLSISGHSQARPSQYFTSPEVVIPLKVIS
RGRGAKAPGWLSYSLRFGGQRYIVHMRVNKLLFAAHLPVFTYTEQHALLQ
DQPFIQDDCYHHGYVEGVPESLVALSTCSGGFLGMLQINDLVYEIKPISV
SATFEHLVYKIDSDDTQFPPMRCGLTEEKIAHQMELQLSYNFTLKQSSFV
GWWTHQRFVELVVVDNIRYLFSSQSNATTVQHEVFNVVNIVDSFYHPLEV
DVILTGIDIWTASNPLPTSGDLDNVLEDFSIWKNYNLNNRLQHDVAHLFI
KDTQGMKLG VAYVKGICQNPENTGVDFEDNRLVVFAITLGHELGHNLGM
QHDTQWCVCCELQWCIMHAYRKVTTKFSNCSYAQYWDSTISSGLCIQPPPY
PGNIFRLKYCGNLVVEEGEECDGTTIRQCAKDPCCLLNCTLHPGAACAFG
ICCKDCKFLPSGTLCRQQVGECDLPEWCNGTSHQCPDDVYVQDGISCNVN
AFCYEKTCNNHDIQCKEIFGQDARSASQSCYQEINTQGNRFGHCGIVGTT
YVKCWTPDIMCGRVQCENGVIPNLIEHSTVQQFHLNDTTCWGTDYHLGM
AIPDIGEVKDGTVCGPEKICIRKKCASMVHLSQACQPKTCNMRGICNNKQ
HHCNHEWAPPYCKDKGYGGSADSGPPKNNMEGLNVMGKLRYLSLLCLL
PLVAFLLFCLHVLFFKKRTKSKEDDEEG